



CORRECCIÓ DE L'ANUNCI DE LA FUNDACIÓ DE RECERCA CLÍNIC BARCELONA – INSTITUT D'INVESTIGACIONS BIOMÈDIQUES AUGUST PI I SUNYER (FRCB-IDIBAPS) PEL QUAL ES LICITA EL CONTRACTE DE SERVEIS DE SEQÜENCIACIÓ PER DONAR SUPORT A LES LÍNIES DE RECERCA DEL GRUP "PREDISPOSICIÓ GENÈTICA AL CÀNCER GASTROINTESTINAL" DE L'ÀREA DE CÀNCER DE FUNDACIÓ DE RECERCA CLÍNIC BARCELONA – INSTITUT D'INVESTIGACIONS BIOMÈDIQUES AUGUST PI I SUNYER (FRCB-IDIBAPS)

Proyecto PI21/00333, financiado por el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII) y cofinanciado por la Unión Europea.
Proyecto PI24/00737, financiado por el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII) y cofinanciado por la Unión Europea

EXP. F26.029CN

De la licitació publicada el dia 7/04/2026 a la Plataforma de contractació corregeix els següents documents, donat que no estava correctament redactat:

- PLEC DE PRESCRIPCIONS TÈCNIQUES (PPT)

- **En l'apartat 1. Objecte del contracte:**

On posava:

Seqüenciació del genoma complet (WGS) : Cobertura: >99 Gb (approx. 30x) i >150 Gb (approx. 50x)

Seqüenciació de l'exoma complet (WES): Cobertura: 90x i 150x

Ha de posar:

Seqüenciació del genoma complet (WGS) : Cobertura: >99 Gb (approx. 30x)

Seqüenciació de l'exoma complet (WES): Cobertura: 90x

- **En l'apartat 3. CARACTERÍSTIQUES TÈCNIQUES ESSENCIALS, SENSE LES QUALS NO ES POT PRESENTAR PROPOSTA:**

On posava:

3.3. El proveïdor realitzarà l'anàlisi bioinformàtica preliminar: QC de les dades a través dels pipelines (alignment, filtering, counting). Determinació de matrius, clusters i anàlisi d'expressió gènica.

Ha de posar:

3.3. El proveïdor realitzarà l'anàlisi bioinformàtica preliminar per als serveis de seqüenciació del exoma complet (WES) i del genoma complet (WGS) haurà d'incloure un control de qualitat inicial de les lectures crues per a avaluar paràmetres com a qualitat, contingut GC i presència d'adaptadors. Les seqüències s'alinearàn al genoma de referència humà (GRCh38/hg38), seguit del processat post alineament que inclogui el marcat de duplicats i el recalibratge de la qualitat de bases. Es realitzarà la crida de variants (SNVs i indels), amb un filtrat bàsic basat en criteris de qualitat i profunditat de lectura, i una anotació preliminar que incorpori informació gènica, efecte funcional i freqüències poblacionals. Així mateix, es generaran mètriques de cobertura (cobertura mitjana i



percentatge de regions cobertes a $\geq 20-30\times$, amb especial èmfasi en regions codificants en WES). Com a lliurables es proporcionaran els arxius estàndard (FASTQ, BAM o CRAM, VCF) juntament amb un informe resumit de l'anàlisi, garantint la traçabilitat i reproduïbilitat del pipeline empleat i el compliment de la normativa vigent en matèria de protecció i confidencialitat de dades.

Es manté la data final de presentació d'ofertes per dia 22/04/2026 hasta les 14:00h.

A Barcelona, a

Sra. Cristina Monsalve
Tècnica de Contractació Pública de la FRCB-IDIBAPS