**Núm. expediente: SER2024-006**

**MODELO DE OFERTA PARA LOS CRITERIOS DE ADJUDICACIÓN OBJETIVOS DE LA LICITACIÓN “SERVICIOS DE METABOLÓMICA, METAGENÓMICA Y SECUENCIACIÓN DEL GEN RIBOSOMAL 16S ARNr A CARGO DEL PROYECTO PI22/01775 TITULADO “ANÁLISIS INTEGRADO DE DATOS MULTI-ÓMICOS PARA ESTABLECER PERFILES CLÍNICOS Y MOLECULARES” FINANCIADO POR EL INSTITUTO DE SALUD CARLOS III (MINISTERIO DE CIENCIA, INNOVACIÓN Y UNIVERSIDADES) Y COFINANCIADO POR LA UNIÓN EUROPEA”**

1. Oferta económica. Se deberá informar en las celdas en blanco los siguientes importes:

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Importe máximo IVA no incluido | IVA 21% | Importe máximo IVA incluido |
|  |  |  |

2. Posibilidad de realizar reuniones presenciales. Se deberá marcar con una cruz en la celda en blanco la opción correspondiente.

|  |  |
| --- | --- |
| Posibilidad de realizar reuniones presenciales | Marcar con una cruz |
| SÍ, 1 REUNIÓN |  |
| SÍ, 2 REUNIONES |  |
| SÍ, 3 REUNIONES |  |
| NO |  |

3. Reducción en el plazo de entrega. Se deberá informar en cuantos meses se entregarán los resultados.

|  |
| --- |
| Plazo de entrega en meses (teniendo en cuenta la reducción del plazo) |
| ..... Meses |

4. Secuenciación 16S >80.000 lecturas/muestra y secuenciación Whole Genome Shotgun >35 millones de lecturas por muestra. Se deberá marcar la celda correspondiente al SÍ o NO y en caso afirmativo informar el número de lecturas por muestra a ofrecer por cada tipo de secuenciación.

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| Mayor número de lecturas por muestra en la secuenciación 16S y la secuenciación Whole Genome Shotgun | Marcar con una cruz | En caso de haber marcado SÍ número de lecturas en la secuenciación 16S | En caso de haber marcado SÍ número de lecturas en la secuenciación Whole Genome Shotgun |
| SÍ |  |  |  |
| NO |  |  |  |